

นักวิจัยไทยแจ้ง

ค้นคว้าพบ 'ยีน' ของ 'เชื้อไวรัส' 'ไข้เลือดออก'

นักวิจัยไทยตั้งกระด้อนโลก ไชปริศนา

ตีเอ็นเอ "ไข้เลือดออก" ค้นพบ "ยีน" ต้นเหตุ ที่ความรุนแรงของโรคได้ ระบุตำแหน่งยีนเดียวกันแต่อยู่คนละเบสมีโอกาสเสี่ยงที่อาการป่วยมากน้อยแตกต่างกันถึง 6 เท่าตัว "ผอ.ไบโอไทย" เผย การตรวจดีเอ็นเอล่วงหน้าช่วยพยากรณ์ล่วงหน้าได้ และทำให้คนป่วยตายน้อยลงได้ ด้าน "กรรทัพพะรังสี" หนุน กระทรวงขอประยุกต์งานวิจัย กระทรวงวิทย์ปรับใช้เลือดออก

เมื่อวันที่ 26 มิ.ย. ศ.ดร.มรกต คันติเจริญ ผอ.ศูนย์พันธุวิศวกรรมและเทคโนโลยีชีวภาพแห่งชาติ (ไบโอเทค) ให้สัมภาษณ์ว่า เมื่อเร็ว ๆ นี้วารสาร Nature Genetics วารสารวิทยาศาสตร์การแพทย์ที่ทั่วโลกให้การยอมรับได้ตีพิมพ์ผลงานของคณะวิจัยไข้เลือดออกของไทย และสถาบันวิจัยปาสเตอร์ ประเทศฝรั่งเศส เรื่อง การค้นพบยีนที่เกี่ยวข้องกับความรุนแรงของการติดเชื้อไวรัสไข้เลือดออก หรือ "A variant in the CD 209 promoter is associated with severity of dengue disease"

ผอ.ไบโอเทค กล่าวว่า ดีเอ็นเอของมนุษย์นอกจากจะประกอบด้วยน้ำตาลไรโบสและฟอสเฟตแล้วยังมีเบส 4 ชนิด คือ อะดีนีน ไทมีน กัวนีน และไซโตซีน โดยเบส 4 ชนิดจะเรียงตัวต่อกันไปเป็นจำนวนทั้งสิ้น 3,000 ล้านตัว และมนุษย์แต่ละคนจะมีการเรียงตัวของเบส

ดังกล่าวแตกต่างกันออกไป จากการศึกษาในคนไทยที่เป็นไข้เลือดออกกว่า 1,000 คน คณะวิจัยได้ค้นพบตำแหน่งของเบสหรือยีนที่มีความสัมพันธ์กับความรุนแรงของการติดเชื้อไวรัสดังกล่าว

"กลุ่มบุคคลที่ชนิดของเบสตำแหน่ง 338 เป็นกัวนีน เมื่อติดเชื้อไวรัสดังกล่าวจะมีโอกาสหรือความเสี่ยงสูงที่จะมีอาการของไข้เลือด

ออกที่รุนแรงมากกว่ากลุ่มคนที่ชนิดของเบสตรงตำแหน่งเดียวกันเป็นอะดีนีนถึง 6 เท่าเลยทีเดียว" ศ.ดร.มรกต อ้างข้อมูลการวิจัยและเปิดเผยว่า แม้ว่างานวิจัยดังกล่าวยังไม่สมบูรณ์ แต่การค้นพบดังกล่าวค่อนข้างที่จะนำไปใช้พยากรณ์เพื่อลดความเสี่ยงต่อการเกิดความรุนแรงของโรคไข้เลือดออก โดยอาจใช้การตรวจคัดกรองพันธุกรรมเป็นแนวทางป้องกันหรือช่วยให้แพทย์มีแนวทางการรักษาอย่างถูกต้องได้ในอนาคต

ผอ.ไบโอเทค กล่าวว่า งานวิจัยชิ้นนี้เป็นส่วนหนึ่งของโครงการวิจัยโรคเขตร้อน ที่เป็นความร่วมมือของไบโอเทค สำนักงานพัฒนาวิทยาศาสตร์และเทคโนโลยีแห่งชาติ (สวทช.) กระทรวงวิทยาศาสตร์ และสำนักงานกองทุนสนับสนุนการวิจัย (สกว.) องค์การอนามัยโลก รวมถึงคณะแพทยศาสตร์ ศิริราชพยาบาล และคณะแพทยศาสตร์ มหาวิทยาลัยเชียงใหม่ โดยก่อนหน้านี้คณะวิจัยได้ศึกษานวัตกรรมตรวจหาเชื้อไวรัสดังกล่าว และค้นพบสาเหตุที่ผู้ป่วยไข้เลือด

ออกซ้ำๆ มีสาเหตุมาจากการติดเชื้อครั้งที่สองต่างจากสายพันธุ์ในครั้งแรกมาแล้ว

นายกร ทัพพะรังสี รว.วิทยาศาสตร์และเทคโนโลยี กล่าวว่า งานวิจัยต่าง ๆ เกี่ยวกับโรคไข้เลือดออกไม่ว่าจะเป็นการค้นพบยีนที่พบความรุนแรงของโรค การพัฒนาวัคซีนป้องกันแล้วเป็นฐานข้อมูลของกระทรวงวิทยาศาสตร์ฯ ที่ช่วยสนับสนุนให้กระทรวงสาธารณสุขในฐานะเจ้าภาพนำไปพัฒนาและประยุกต์ใช้แก่ป้องกันควบคุม และแก้ปัญหาโรคไข้เลือดออก โดยผลงานวิจัยต่าง ๆ จะนำไปเผยแพร่ในงานไบโอไทย 2005 ที่จะจัดขึ้นที่ศูนย์การประชุมแห่งชาติสิริกิติ์ ระหว่างวันที่ 2-5 พ.ย.นี้ด้วย.