

สารบัญ

	หน้า
บทที่ 1 สารพันธุกรรม	1
นิวคลีโอไทด์และการนิวคลีอิก	1
โครงสร้างของกรดนิวคลีอิก	5
อาร์เอ็นเอหรือกรดไขว้ในนิวคลีอิก	7
ดีเอ็นเอหรือกรดดีออกซีไรโนนิวคลีอิก	7
โครงสร้างของดีเอ็นเอ	8
คุณสมบัติของกรดนิวคลีอิก	9
รหัสพันธุกรรม	11
ความหมายของรหัสพันธุกรรม	12
การถอดแบบพันธุกรรม	13
การถอดรหัสพันธุกรรมหรือการตั้งเคราะห์ RNA	14
การแปลรหัสพันธุกรรม	16
บทที่ 2 วิัฒนาการของสิ่งมีชีวิต	18
พันธุศาสตร์ประชากร	19
วิัฒนาการระดับจุลภาค	21
การเคลื่อนย้ายพันธุกรรม	21
การอพยพ	22
การถ่ายพันธุ์	22
การคัดเลือกโดยธรรมชาติ	23
การคัดเลือกประชากรมั่นคง	24
การคัดเลือกประชากรตามแนวโน้ม	24
การคัดเลือกประชากรที่แตกต่าง	24
การผสมพันธุ์แบบเลือกลักษณะ	24
วิัฒนาการระดับมหภาค	24
รูปแบบวิัฒนาการ	25
วิัฒนาการแยกจาก	25

วิัฒนาการเข้าหา	26
วิัฒนาการข่าน	26
การก้าวเนิดชนิดหรือสปีชีส์	26
การแยกด้วยสภาพภูมิประเทศ	27
การลดลงของการไหลของยืน	27
บทที่ 3 ความหลากหลายทางชีวภาพ	28
ความหลากหลายทางชีวภาพ	29
ความหลากหลายทางพันธุกรรม	30
สาเหตุแห่งความหลากหลายทางพันธุกรรม	31
ความหลากหลายชนิดของสิ่งมีชีวิต	31
สาเหตุความหลากหลายชนิดของสิ่งมีชีวิต	32
ความหลากหลายทางนิเวศวิทยา	33
ความสำคัญของความหลากหลายทางชีวภาพ	34
การกลยยพันธุ์	35
ปัจจัยที่มีผลต่อการกลยยพันธุ์	35
รังสี	35
สารเคมี	38
กลไกการกลยยพันธุ์	38
การกลยยพันธุ์ของพืช	39
การกลยยพันธุ์ที่มีผลต่อโครงสร้าง	40
การกลยยพันธุ์ที่มีผลต่อนิวคลีโอไทด์	40
การกลยยพันธุ์ที่มีผลต่อโครงสร้างของโครโนโซม	42
การกลยยพันธุ์ที่มีผลต่อระบบการทำงาน	43
การกลยยพันธุ์แบบบอสัณฐาน	43
การกลยยพันธุ์ที่เปลี่ยนแปลงการทำงานของ遺傳子	43
การกลยยพันธุ์ที่มีผลกระทบเด่นทางลบ	43
การกลยยพันธุ์แบบเปลี่ยวๆ	43
การกลยยพันธุ์ที่มีผลต่อการเปลี่ยนแปลงลักษณะภายนอก	44
การปรับปรุงของจำนวนโครโนโซม	44
การปรับปรุงของจำนวนชุดโครโนโซม	44

บทที่ 4 ปฏิกิริยาอุดกใช้โพลีเมอร์	45
สารเคมีที่เป็นส่วนประกอบของปฏิกิริยาอุดกใช้โพลีเมอร์	47
บัฟเฟอร์	47
แมกเนเซียมคลอไรด์	47
ต้องการนิวคลีโอไซด์โครงสร้างเพลส	47
สารยับยั้งและเพิ่มประสิทธิภาพของปฏิกิริยา	48
ไพรเมอร์	49
ตีอีนเดคันแบบ	51
การเลือกใช้อ่อนไข้มีของปฏิกิริยา	52
DNA polymerase	53
DyNAzyme™ EXT DNA polymerase	54
Taq/AmpliTaq DNA polymerase	54
Tth DNA polymerase	55
Vent DNA polymerase	55
Pfu DNA polymerase	56
Pwo DNA polymerase	57
UITma DNA polymerase	57
Platinum Taq DNA polymerase	57
Phusion™ DNA polymerase	57
KOD polymerase	58
Klenow fragment	58
Bacteriophage T4 DNA polymerase	58
LongAmp™ Taq DNA polymerase	59
Phire™ Hot Start DNA polymerase	59
Crimson Taq™ DNA polymerase	59
Deep Vent _R [®] DNA polymerase	59
กระบวนการของปฏิกิริยา	60
การตรวจวิเคราะห์ผลผลิตของปฏิกิริยาอุดกใช้โพลีเมอร์	61
การคิดผลจากผลผลิตของปฏิกิริยาอุดกใช้โพลีเมอร์	62
การตรวจวัดผลผลิตแบบไม่จำเพาะด้วยนิวคลีโอไทด์	63
Agarose gel /polyacrylamide gel electrophoresis	63

High performance liquid chromatography (HPLC)	63
Solid-Phase Assays	64
Scintillation proximity assay	64
การตรวจวัดผลผลิตแบบจำเพาะต่อส่วนนิวคลีโอไทด์	65
การหาส่วนนิวคลีโอไทด์โดยตรง	65
การตรวจวัดด้วยการคิดจะทางเรืองแสง	66
การตรวจวัดด้วยปฏิกิริยาในระบบกุมิคุ้มกัน	66
 บทที่ 5 วัสดุอุปกรณ์ และเครื่องมือ	68
วัสดุอุปกรณ์ และเครื่องมือ เครื่องใช้ในปฏิกิริยาลูกลูกลูกไช่โพลีเมอร์ส	68
เครื่องมือ	68
PCR machine or Thermal cycler	68
อิเล็กโทรโฟรีซิส	71
เครื่องมีง่ายด้วยไอน้ำ	72
เทคนิคการใช้เครื่องมีง่ายด้วย	73
ความปลอดภัยในการใช้เครื่องมีง่ายด้วย	74
คุ้มความร้อน	75
Micropipette	75
UV-transilluminator	76
คุ้ชวนรักษ์	77
คุ้ชวนรักษาระดับ 1	78
คุ้ชวนรักษาระดับ 2	79
คุ้ชวนรักษาระดับ 3	82
การใช้งานคุ้ชวนรักษ์	82
วัสดุในปฏิกิริยาลูกลูกลูกไช่โพลีเมอร์ส	83
PCR tube หรือ Microcentrifuge tube	83
Micropipette tip	84
 บทที่ 6 การศึกษาความหลากหลายของพืช	85
การศึกษาความหลากหลายทางพันธุกรรมโดยใช้เทคนิคปฏิกิริยาลูกลูกลูกไช่โพลีเมอร์ส	85
ประเมินดีเอ็นเอ	86

Nuclear ribosomal DNA	86
ดีเอ็นเอในเซลล์ราเพลสต์ และดีเอ็นเอในโถคอนเดรีย	88
Ribulose 1, 5-bisphosphate carboxylase	89
RNA polymerases C1, C2	89
Cytochrome C	90
tRNA-Leu gene	90
Lysine tRNA gene	90
Maturase gene	91
Cylooxygenase gene	92
<i>psaA</i> and <i>psbB</i>	92
Microsome ω-3 fatty acid desaturase	92
Random Amplified Polymorphic DNA or Polymerase Chain Reaction by Arbitrarily Chosen Primers	93
Simple Sequence Repeat PCR หรือ Inter- Simple Sequence Repeat PCR	96
Sequence Characterized Amplified Region	98
Random Amplified Microsatellite Polymorphism	100
Amplified Fragment Length Polymorphisms	100
Sequence-Related Amplified Polymorphism	102
Direct Amplification of Length Polymorphism	103
Polymerase Chain Reaction-Restriction Fragment Length Polymorphism	103
Cleaved Amplified Polymorphic regions	104
Single Nucleotide Polymorphisms	105
Polymerase Chain Reaction Single-Stand Conformation Polymorphism	105
 บทที่ 7 การตรวจวิเคราะห์ผลผลิตของปฏิกิริยาสูญเสียพลัมเมอเรส	
เจลอะลีกไทร์ไฟร์ซิส	106
อะลีกไทร์ไฟร์ซิสแบบเจลอะกาโนส	107
การเตรียมสารละลาย TAE, TBE และ TPE	109
การทำให้เจลอะกาโนสเยิ่งตัว	109
การเตรียมเจลอะกาโนสตามแนวอนุ	110
การเตรียมเจลอะกาโนสตามแนวตั้ง	111

การประกบดับเบลจีสและการยึดดับเบลจีส	111
การทำให้เจลแข็งตัว	111
เตรียมสำหรับวิเคราะห์อัลเลลิกไทรโพลีซิส	112
การใส่ด้าวย่างดีเอ็นเอ	112
สารละลาย Loading buffer	113
อัลเลลิกไทรโพลีซิสแบบเจลโพลิอคิลามายด์	113
การย้อมเจล	115
การย้อมดีเอ็นเอด้วย SYBR Green	115
ขั้นตอนการย้อมดีเอ็นเอด้วย SYBR Green	115
วิธีการย้อมดีเอ็นเอด้วยสารละลาย SYBR Green	116
การย้อมดีเอ็นเอบนเฉพาะกาไรสหรือโพลิอคิลามายด์ด้วยเอกิเดียมโนร์ไมค์	117
วิธีย้อมดีเอ็นเอบนเจลเฉพาะกาไรสด้วยเอกิเดียมโนร์ไมค์	118
วิธีย้อมดีเอ็นเอบนแผ่นโพลิอคิลามายด์ด้วยเอกิเดียมโนร์ไมค์	118
การย้อมดีเอ็นเอบนเจลเฉพาะกาไรสด้วย Methylene blue หรือ Acridine orange	119
วิธีย้อมดีเอ็นเอบนเจลเฉพาะกาไรสด้วยสี Methylene blue	119
วิธีย้อมดีเอ็นเอบนเจลเฉพาะกาไรสด้วยสี Acridine orange	119
การย้อมดีเอ็นเอบนแผ่นโพลิอคิลามายด์ด้วยสารโลหะเงิน	120
วิธีย้อมดีเอ็นเอบนแผ่นโพลิอคิลามายด์ด้วยสารโลหะเงิน	120
Southern blotting	121
Depurination	122
 บทที่ 8 การเตรียมด้าวย่างพืช	123
การเก็บด้าวย่างและการเก็บรักษา	124
การสกัดแยกดีเอ็นเอจากตัวอ่อนมีชีวิต	125
เซลล์ภูมิคุ้มกัน	125
การสกัดโกรไมโคนดีเอ็นเอของพืช	126
Plant DNA Extraction	127
DNA extraction	127
CTAB extraction	128
DNA extraction from plant containing high polysaccharide by CTAB	131
DNA extraction from latex-containing plants by CTAB	133

DNAzol Genomic DNA isolation reagent	135
NucleoSpin® Plants	137
Whatman FTA® Cards	138
 บทที่ 9 การวิเคราะห์ความหลากหลาย	139
RAPD (Random Amplified Polymorphic DNA)	139
DAF (DNA Amplification Fingerprinting)	140
Microsatellites or Simple Sequence Repeats	141
Random Amplified Microsatellite Polymorphism	142
Direct Amplification of Length Polymorphisms	143
Sequence-Related Amplified Polymorphism	145
Polymerase Chain Reaction – Restriction Fragment Length Polymorphism	146
การวิเคราะห์โดยใช้ยีน matK	146
Internal Transcribed Spacer (ITS) sequences	148
Sequence-Related Amplified Polymorphism (SRAP)	150
 บทที่ 10 ชีวสารสนเทศสำหรับความหลากหลายของพืช	153
ฐานข้อมูลทางอนุชีววิทยาบนอินเตอร์เน็ต	154
การวิเคราะห์ข้อมูลทางอนุชีววิทยา โดยโปรแกรมบนอินเตอร์เน็ต วิธีการสืบค้นข้อมูล	158
 บรรณานุกรม	175
 ตราชนี	185
	197

สารบัญรูป

	หน้า
รูปที่ 1 การนิวคลีอิก	2
รูปที่ 2 น้ำคากเพนไทส์	3
รูปที่ 3 นิวคลีอีไทย	4
รูปที่ 4 การต่อเขื่อมของกรณีนิวคลีอิกเป็นสายยาว	5
รูปที่ 5 โครงสร้างแบบสายเดี่ยวและคู่ของกรณีนิวคลีอิก	6
รูปที่ 6 โครงสร้างแบบ supercoil	6
รูปที่ 7 โครงสร้างของดีเอ็นเอ (A) แบบเอ (B) แบบบี และ (C) แบบซี	9
รูปที่ 8 การตัดเลือกโดยธรรมชาติแบบด่างๆ ที่เกิดขึ้น	23
รูปที่ 9 รูปแบบการวิวัฒนาการ	25
รูปที่ 10 แสดงกระบวนการเกิดปฏิกิริยาลูกลูซ่าเพลเมอร์ส	46
รูปที่ 11 การหาลำดับนิวคลีอีไทยของดีเอ็นเอ	65
รูปที่ 12 แสดงการอ่านผลการคิดฉลากด้วยสารเรืองแสง (fluorescence) ของนิวคลีอีไทย	65
รูปที่ 13 เครื่อง PCR machine หรือ Thermal cycler	70
รูปที่ 14 การแยกสารพันธุกรรมโดยใช้อิเล็ก trode ไฟฟ์ชิสแบบแนวตั้ง หรือเจลไฟล์โคลิสามายด์	72
รูปที่ 15 เครื่องนีเช่าเชือรุ่นเก่ากับเครื่องนีเช่าเชือรุ่นใหม่	74
รูปที่ 16 คู่อุบด้วยลมร้อน	75
รูปที่ 17 UV-transilluminator พร้อมชุดถ่ายภาพ	76
รูปที่ 18 คุชชันรักษาระดับ 1	78
รูปที่ 19 คุชชันรักษาระดับ 2 แบบ เอ 1	80
รูปที่ 20 คุชชันรักษาระดับ 2 แบบ เอ 2	80
รูปที่ 21 คุชชันรักษาระดับ 2 แบบ มี 1	81
รูปที่ 22 คุชชันรักษาระดับ 2 แบบ มี 2	82
รูปที่ 23 Microcentrifuge tubes แบบด่างๆ	84
รูปที่ 24 Micropipette tip	84
รูปที่ 25 แสดงตำแหน่งของ Internal Transcribed Spacer (ITS)	87

รูปที่ 26	ภาพโครงสร้างทุติยภูมิของ 18S rRNA gene	88
รูปที่ 27	คลื่นไฟฟ้าสกัดของข้าวโพด	89
รูปที่ 28	แสดงค่าແเน่งส่วนต่างๆ ของ <i>matK</i> gene	90
รูปที่ 29	แสดงค่าແเน่งและขนาดของ <i>matK</i> gene	91
รูปที่ 30	แสดงขั้นตอนการด้วยวิเคราะห์ด้วยวิธี Random Amplified Polymorphic DNA	94
รูปที่ 31	แผนหรือชื่อของสารพันธุกรรมที่แสดงเจ้าเพาะของระดับสิ่งมีชีวิตจากวิธี RAPD	94
รูปที่ 32	ผลการวิเคราะห์ด้วยวิธี Random Amplified Polymorphic DNA	95
รูปที่ 33	แสดงขั้นตอนการวิเคราะห์ด้วยวิธี Inter-Simple Sequence Repeat PCR	97
รูปที่ 34	แสดงผลการวิเคราะห์ความหลากหลายของ Peanut (<i>Arachis hypogaea</i> L.) ด้วยวิธี Sequence Tagged Microsatellite Site	98
รูปที่ 35	แสดงขั้นตอนการวิเคราะห์ด้วยวิธี Sequence Characterized Amplified Region	99
รูปที่ 36	ผลการวิเคราะห์ความหลากหลายทางพันธุกรรมของ <i>Panax</i> sp. ด้วยวิธี SCAR	99
รูปที่ 37	ผลการวิเคราะห์ด้วยวิธี Random Amplified Microsatellite Polymorphism	100
รูปที่ 38	แสดงขั้นตอนการวิเคราะห์ด้วย Amplified Fragment Length Polymorphisms	101
รูปที่ 39	ผลการวิเคราะห์ด้วยวิธี Amplified Fragment Length Polymorphisms	101
รูปที่ 40	แสดงขั้นตอนการวิเคราะห์ด้วยวิธี PCR-RFLP	104
รูปที่ 41	แสดงการวิเคราะห์ด้วย PCR-SSCP ที่ย่อยด้วย <i>Taq</i> I และ <i>Pst</i> I ของ <i>b/a_{TEM}</i> genes	105
รูปที่ 42	การแยกคิเอ็นแอด้วยอะก้าโรส	108
รูปที่ 43	แสดงค่าແเน่งของไฟรเมอร์ที่เพิ่มปริมาณชิ้นคิเอ็นแอของ <i>matK</i> gene	148
รูปที่ 44	แสดงค่าແเน่งการเพิ่มปริมาณชิ้นคิเอ็นแอของ ITS regions	150
รูปที่ 45	EMBL-EBI Web	154
รูปที่ 46	DDBJ Web	155
รูปที่ 47	Swiss-Port Web	155
รูปที่ 48	PIR web	156
รูปที่ 49	BRENDA Web	157
รูปที่ 50	PDB web	158
รูปที่ 51	ExPASy Web	158
รูปที่ 52	123Genomics web	161
รูปที่ 53	EBI Web	161
รูปที่ 54	Israel Science Web	162

รูปที่ 55	Cell biology Web	163
รูปที่ 56	NCBI BLAST Web	164
รูปที่ 57	EBI Tools WU-BLAST2 Web	164
รูปที่ 58	ExPASy-Translate tool Web	165
รูปที่ 59	Webcutter Web	167
รูปที่ 60	NEBcutter Web	168
รูปที่ 61	TreeTop Web	169
รูปที่ 62	PHYLIP Web	169
รูปที่ 63	Primer3 Web	170
รูปที่ 64	Molecular biology Web	171
รูปที่ 65	Melting Temperature Calculation	172
รูปที่ 66	Melting Tempereture Prediction Tool	172
รูปที่ 67	Optimase ProtocolWriter	173
รูปที่ 68	3-D Protein Structure Comparison	174
รูปที่ 69	EMBL-EBI Structural Analysis	174
รูปที่ 70	Molecular Docking Web	175
รูปที่ 71	แสดงหน้าของฐานข้อมูล NCBI ในส่วนที่จะสืบค้นนิวคลีโอไทด์	175
รูปที่ 72	แสดงข้อมูลที่สืบค้นได้ซึ่งค่าคัน 18S RNA และ menispermaceae	176
รูปที่ 73	แสดงรายละเอียดของข้อมูล DQ353867 (Accession number)	177
รูปที่ 74	การใช้โปรแกรม ClustalW2	180
รูปที่ 75	แสดงผลการวิเคราะห์เปรียบเทียบยีน 18S rRNA ของพืช 4 ชนิด	180

สารบัญตาราง

	หน้า
ตารางที่ 1 แสดงการแปลงรหัสพันธุกรรมเป็นกรดอะมิโน	12
ตารางที่ 2 แสดงรหัสย่อของกรดอะมิโนต่อชนิด	13
ตารางที่ 3 แสดงการเปรียบเทียบ DNA polymerase	54
ตารางที่ 4 แสดงความสัมพันธ์ความเข้มข้นของกาโน่ส์ ในการแยกดีเอ็นเอ	108
ตารางที่ 5 สารละลายในการวิเคราะห์ดีเอ็นเอด้วยวิธีเจลอิเล็ก troforese พร้อมตัวอย่าง	109
ตารางที่ 6 สารละลาย Loading buffer	113
ตารางที่ 7 แสดงความสัมพันธ์ความเข้มข้นของโพลีคลิเมริกาต์ ในการแยกดีเอ็นเอ	114
ตารางที่ 8 ประสิทธิภาพการตรวจวิเคราะห์ปริมาณดีเอ็นเอบน BASIS ด้วยสีย้อม	116
ตารางที่ 9 คุณสมบัติของ Membrane	121

ก.
การวิเคราะห์ความหลากหลายของพืชโดยวิธีอนุเชื้อวิถี
ผู้ช่วยศาสตราจารย์ฤทธิ์ วัฒนชัยยิ่งเจริญ

ราคา 290 บาท

พิมพ์ครั้งที่ 1: เมษายน พ.ศ. 2553 จำนวน 500 เล่ม

ผลงานสิทธิ์ด้านทรัพยากรบัณฑุ์และสิทธิ์

ข้อมูลทางบรรณาธิการของหอสมุดแห่งชาติ

ฤทธิ์ วัฒนชัยยิ่งเจริญ

การวิเคราะห์ความหลากหลายของพืชโดยวิธีอนุเชื้อวิถี/ฤทธิ์ วัฒนชัยยิ่งเจริญ
พิมพ์ครั้งที่ 1.-กรุงเทพฯ: คณะเภสัชศาสตร์ มหาวิทยาลัยศรีนครินทรวิโรฒ, 2553.

220 หน้า: ภาพประกอบ

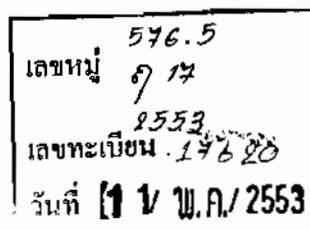
ISBN 978-616-7299-19-8

1. ความหลากหลายของพืช 2. อนุเชื้อวิถี 3. การวิเคราะห์สารพันธุกรรม

พิมพ์ที่: ศูนย์การพิมพ์ สำนักสือและเทคโนโลยีการศึกษา มหาวิทยาลัยศรีนครินทรวิโรฒ

114 สุขุมวิท 23 แขวงคลองเตยเหนือ เขตวัฒนา กรุงเทพฯ 10110

โทรศัพท์ 02649-50009 ต่อ 5616 โทรสาร 02261-5299



105332

BSTI DEPT. OF SCIENCE SERVICE
สำนักหนังสือฯ การวิทยาศาสตร์และการ



1110012047